



SCHWEIZERISCHE VEREINIGUNG FÜR TIERPRODUKTION
Association Suisse pour la Production Animale
Swiss Association for Animal Production

Swiss Animal Breeding Technology Platform (SABRE-TP): Workshop vom 21.06.2012 an der Vetsuisse Fakultät der Universität Bern

Zusammenfassung der Präsentation von Projekten und Know-how

Organisation	Universität Bern Institut für Genetik	Bremgartenstrasse 109a 3001 Bern	Tierart	Alle Säugetiere
Kontaktpersonen	Tosso Leeb	tosso.leebe@vetsuisse.unibe.ch	031 631 23 26	Institutsdirektor, Molekulargenetik
	Gaudenz Dolf	gaudenz.dolf@vetsuisse.unibe.ch	031 631 23 20	Tierzucht & Quantitative Genetik
	Cord Drögemüller	cord.droegemueller@vetsuisse.unibe.ch	031 631 25 29	Mol.-genetik Rind, Schaf, Ziege
Spezielles Know-how				
Molekulargenetik, Entwicklung von Gentests für monogene Merkmale, Erbkrankheiten				
Genomsequenzierung				
Genomweite Assoziationsstudien (GWAS)				
Aktuelle Projekte (Auswahl)	Kurzbeschreibung	Partner	Spezielles Know-how	
Rind / Genetische Hornlosigkeit	Suche nach den ursächlichen Mutationen und Entwicklung von zuverlässigen direkten Gentests		Genomsequenzierung, positionelle Klonierung	
Pferd / Leberfibrose (CLF)	Suche nach der ursächlichen Mutation und Entwicklung eines direkten Gentests	ALP-Haras, SFZV	Mutationsanalysen, Transkriptomanalyse	
Schwein / Verschiedene Merkmale	Genomweite Assoziationsstudien für kommerziell wichtige Merkmale mit Hilfe von SNP-Chip Genotypen	SUISAG, FBN Dummerstorf	GWAS, GenABEL Paket für stratifizierte Populationen	
Geplante Projekte/Ideen	Kurzbeschreibung	Notwendige Partner bzw. Know-how		
Molekulare Aufklärung monogen vererbter Merkmale in allen Spezies	Auffinden der kausalen Mutation → Entwicklung von Gentests	<ul style="list-style-type: none"> - Monogen oder „wenig komplex“ vererbte Phänotypen - Proben der entsprechenden Tiere - Phänotyp-Daten 		
Auffinden potentiell schädlicher Varianten in Genomsequenzen	Genomsequenzierung → bioinformatische Analyse			
Vollständige Liste der Projekte unter: http://www.genetics.unibe.ch				